

CURRICULUM VITÆ

Dr Ivan Paz Vinas (nom d'auteur : Ivan Paz-Vinas)

Maître de conférences, Université Claude Bernard Lyon I

Laboratoire d'Écologie des Hydrosystèmes Naturels et Anthropisés (LEHNA), UMR5023

Profils web et identifiants chercheur :

[Profil Google Scholar](#) ; [Profil ResearchGate](#)

ORCID : [0000-0002-0043-9289](#) **ResearcherID / Publons** : [L-1936-2013](#) **Scopus** : [55765455900](#)

Thématiques de recherche principales et mots-clés

Écologie moléculaire ; Génétique des populations, du paysage et de la conservation ; Analyses macrogénétiques ; Écologie des communautés ; Analyses quantitatives ; Biologie des invasions ; Patrons spatio-temporels de biodiversité ; Dynamiques éco-évolutives ; Modélisation et simulation de données ; Politiques de la conservation ; Indicateurs de biodiversité ; Inférence d'histoires démographiques ; Calcul Bayésien approché ; Analyses causales ; Apprentissage automatique

Formation académique et diplômes

2010 - 2014 : **Doctorat** en Écologie, Biodiversité et Évolution - Laboratoire Évolution et Diversité Biologique (EDB), Université Paul Sabatier (UPS), Toulouse. Thèse soutenue **le 13 mai 2014** à Toulouse.

2009 - 2010 : **Master Recherche** Biodiversité, Écologie et Évolution - UPS, Toulouse.

2008 - 2009 : **Maîtrise** Écologie - UPS, Toulouse.

2007 - 2008 : **Licence** Biologie des Organismes, des Populations et des Écosystèmes (BOPE) - UPS, Toulouse.

2004 - 2007 : **DEUG** Biologie Générale et Sciences de la Terre et de l'Univers (BGSTU) - UPS, Toulouse.

2003 - 2004 : **Baccalauréat** série S, spécialité SVT - Lycée Comtes de Foix, Andorra la Vella, Andorre.

Expériences professionnelles scientifiques

Depuis le 4/09/2023 : **Maître de conférences section 67** à l'Université Claude Bernard Lyon 1, UFR Biosciences, Laboratoire LEHNA UMR 5023.

11/05/2022 – 22/06/2023 : **Post Doc Researcher** *Standardizing, aggregating, analyzing and disseminating global wildlife genetic and genomic data for improved management and advancement of community best practices.* Superviseur : W. Chris Funk - Département de biologie - Colorado State University, Fort Collins, CO, États-Unis. Contrat financé par l'U.S. Geological Survey (USGS) : bourse du « John Wesley Powell Center for Analysis and Synthesis ».

1/09/2020 - 28/02/2022 : **Post-doc en tant qu'ingénieur de recherche (IR UPS)** *Local invasion pathways inference in a complex meta-socio-ecosystem using genetic, ecological and socio-economic approaches.* Superviseurs : Julien Cucherousset et Géraldine Loot - Laboratoire EDB - UPS, Toulouse, France. Contrat financé par l'Agence de l'Eau Adour-Garonne (AEAG).

01/03/2020 - 30/04/2020 : **Post-doc (IR UPS)** *Characterization of the genetic variability patterns of European catfish (*Silurus glanis*) populations across Europe.* Superviseur : Frédéric Santoul - Laboratoire ECOLAB - UPS, Toulouse, France.

6/01/2020 - 29/02/2020 : **Post-doc (IR CNRS)** *Characterization of the genetic variability patterns of European catfish (*Silurus glanis*) populations across Europe.* Superviseur : Frédéric Santoul - Laboratoire ECOLAB - UPS, Toulouse, France.

1/06/2019 - 30/11/2019 : Post-doc (IR UPS) *Identification of the introduction pathways of two invasive alien species (the red swamp crayfish *Procambarus clarkii* and the spiny cheek crayfish *Faxonius limosus*) in a network of artificial gravel pits.* Superviseur : Julien Cucherousset - Laboratoire EDB - UPS, Toulouse, France. Contrat financé par l'AEAG.

1/04/2019 - 31/05/2019 : Post-doc (IR UPS) *Estimation of the total biomass of anadromous fish consumed yearly by the European catfish (*Silurus glanis*) in the Garonne river (Southwestern France).* Superviseur : Frédéric Santoul - Laboratoire ECOLAB - UPS, Toulouse, France. Contrat financé par le Syndicat Mixte d'Études et d'Aménagement de la Garonne (SMEAG) et l'AEAG.

1/10/2018 - 30/11/2018 : Post-doc (IR CNRS) *Reconstruction of the invasion process of the Garonne river basin by the European catfish (*Silurus glanis*) using genetic inference procedures.* Superviseur : Frédéric Santoul - Laboratoire ECOLAB - UPS, Toulouse, France. Contrat financé par l'Union des Fédérations départementales pour la pêche et la protection du milieu aquatique du Bassin Adour-Garonne (UFBAG).

1/02/2018 - 31/07/2018 : Post-doc (IR CNRS) *Population genetics and demographic analyses of the European catfish (*Silurus glanis*) in Southwestern France.* Superviseur : Frédéric Santoul - Laboratoire ECOLAB - UPS, Toulouse, France. Contrat financé par l'UFBAG.

2/10/2017 - 2/11/2017 : Chercheur invité. *Reconstruction of the invasion dynamics of *Gambusia holbrooki* (mosquitofish) in Southern Europe.* Superviseur : José Luis Garcia-Marin - « Laboratori d'ictiologia genètica » - Universitat de Girona, Gérone, Espagne. Mobilité financée par la bourse de mobilité AM057-AND-2017 accordée par le Gouvernement de la Principauté d'Andorre.

1/09/2016 - 31/08/2017 : ATER à temps partiel (UCBL1) *Spatial patterns of genetic diversity in species living in hyporheic corridors.* Superviseur : Florian Malard - Laboratoire LEHNA - Université Claude Bernard Lyon I (UCBL1), Villeurbanne, France. Contrat financé par l'UCBL1.

1/11/2014 - 31/07/2016 : Post-doc (IR CNRS) *Demographic history inference of two endangered fishes using approximate Bayesian computations.* Superviseurs : Caroline Costedoat et Vincent Dubut - IMBE (Institut Méditerranéen de Biodiversité et d'Écologie) - Centre National de la Recherche Scientifique (CNRS), Marseille, France. Contrat financé par l'ancien Office National de l'Eau et des Milieux Aquatiques (ONEMA).

1/09/2013 - 31/08/2014 : ATER à temps partiel (UPS) *Causal analyses in landscape genetics and species-genetic diversity correlations in riverine fishes.* Superviseurs : Simon Blanchet et Géraldine Loot - Laboratoire EDB - UPS, Toulouse, France. Contrat financé par l'UPS.

1/10/2010 - 31/08/2013 (35 mois) : Doctorant Contractuel Chargé d'Enseignement (DCCE) *Spatial patterns of genetic diversity in dendritic river networks and processes generating them.* Superviseurs : Simon Blanchet et Géraldine Loot - Laboratoire EDB - UPS, Toulouse, France. Contrat financé par le Ministère de l'Enseignement Supérieur et de la Recherche du Gouvernement de la République Française (bourse doctorale) et par la Commission Européenne (projet IWRN-NET IMPACT ; fonctionnement).

Interruptions de carrière : J'ai cumulé **24 mois** d'interruptions de carrière (chômage) depuis la fin de ma thèse (huit périodes allant de 1 à 5 mois entre les divers contrats postdoctoraux susmentionnés).

Expériences professionnelles (hors domaine scientifique)

2004 - 2009 : Gestion et administration du garage automobile « Tallers Sucarana » (Escaldes-Engordany, Andorre), pendant les périodes estivales et les vacances universitaires.

Stages universitaires prédoctoraux

2010 (janvier - juin) : Stage obligatoire de M2 Recherche : « The effects of habitat fragmentation on freshwater fish populations: A comparative multi-specific approach ». Superviseurs : Simon Blanchet et Géraldine Loot - Laboratoire EDB - UPS, Toulouse, France.

2009 (août) : Stage volontaire sur le chantier de fouilles paléontologiques du Musée des Dinosauriens d'Espérasa. Superviseur : Jean Le Loeuff - Espérasa, Aude, France.

2009 (juin) : Stage volontaire au Département d'Écologie de l'ancien CEAMISH (« Centro de Educación Ambiental e Investigación Sierra de Huautla », aujourd'hui nommé CIByC) - Université Autonome de l'État de Morelos, Cuernavaca, Mexique. Superviseurs : Marcela Osorio-Beristain et David Valenzuela-Galván.

2008 (août) : Stage volontaire sur le chantier de fouilles paléontologiques du Musée des Dinosauriens d'Espérasa. Superviseur : Jean Le Loeuff - Espérasa, Aude, France.

Autres formations / activités

6/12/2022 - 20/12/2022 : Mission scientifique de courte durée (STSM) à la COP15 de la Convention sur la Diversité Biologique (CDB) des Nations Unies à Montréal (Canada). *Les indicateurs génétiques et le Cadre mondial de la biodiversité post-2020 de la CDB.* La mission comprenait la participation active, la co-organisation d'un événement parallèle et la tenue d'un stand d'exposition à la COP15. Mission financée par l'action de coopération européenne en science et technologie (COST) CA 18134 « G-Bike ».

4/09/2017 - 7/09/2017 : 34^{ème} Université d'été d'Andorre. « [Technologie et humanité : lumières et ombres](#) ». Certificat d'assistance aux conférences (5 jours) - Andorre-la-Vieille, Andorre.

7/09/2015 - 11/09/2015 : [Software and Statistical Methods for Population Genetics \(SSMPG\) Summer School](#) : programmes et méthodes statistiques pour détecter des gènes impliqués dans l'adaptation locale. Organisé par Michael Blum et Renaud Vitalis - Aussois, France.

22/03/2010 - 23/03/2010 : Formation SGI (« Silicon Graphics International »). « High-Performance-Computing » (HPC) et utilisation du supercalculateur « Hyperion » du groupe CALMIP (Calcul en Midi-Pyrénées) - Toulouse, France.

30/08/2010 - 3/09/2010 : 27^{ème} Université d'été d'Andorre. « [Science et société : du cosmos à l'atome en passant par la vie](#) ». Certificat d'assistance aux conférences (5 jours) - Andorre-la-Vieille, Andorre.

25/08/2008 - 29/08/2008 : 25^{ème} Université d'été d'Andorre. « [L'âme de l'humanité : le patrimoine culturel immatériel](#) ». Certificat d'assistance aux conférences (5 jours) - Andorre-la-Vieille, Andorre.

Activités d'enseignement et de tutorat (Synthèse)

2023 - actuellement (Université Claude Bernard, Lyon I)

Licence 1 SV : Diversité du Vivant

Licence 1 SV Parcours aménagé : Biodiversité

Licence 2 SV : Ecologie générale

Licence 3 Pro ATIB : Biologie de la conservation

M1 BEE : TAD : Techniques d'Acquisition des Données – Systèmes d'Information Géographiques

M1 BEE : GEE 1 : Génomique en Ecologie et Evolution 1 – Génomique du paysage

M1 Sciences de l'eau : BDMA – Ecologie du paysage

M2 Sciences de l'eau : Restauration de la ressource en eau et des milieux

M2 BEE Parcours IWS : Practice within an interdisciplinary and integrated research

Tuteur universitaire de trois étudiantes en apprentissage en entreprise (L3 Pro, M1 BEE et M2 BEEB).

2021 - 2022 : 5 jours (« Instituto Gulbenkian de Ciência », Oeiras, Portugal)

Intervenant invité dans le cours d'écologie du [programme de doctorat IBB](#) co-organisé par Lounès Chikhi, Jean-Louis Hemptinne et Jorge Carneiro (09/05/2022 - 13/05/2022).

2016 - 2017 : 142h (Université Claude Bernard, Lyon I)

Licence 1 SVT : Diversité du Vivant (TP, 111h)

Licence 2 BGSTU : Organisation du Monde Vivant (TP, 6h)

Licence 2 SVT : Biologie et Diversité des Organismes (TD, 1h ; TP, 9h)

Licence 2 SVT : Zoologie (TP, 15h)

2015 - 2016 : 2h (Faculté de Médecine de la Timone, Aix-Marseille Université)

Master 1 Anthropologie Biologique : Archéo-génétique (TD, 2h)

2013 - 2014 : 114h (Université Paul Sabatier, Toulouse III)

Licence 3 BOPE : Zoologie (TP, 36h)

Licence 3 BOPE : Écologie et Biologie Quantitative (TD, 2h)

Licence 3 BOPE : Systèmes d'Informations Géographiques appliqués à l'Écologie (TD, 60h)

Master 1 Écologie : Systèmes d'Informations Géographiques pour l'aménagement du territoire et la gestion de la Biodiversité (TP, 16h)

2011 - 2012 : 68h (Université Paul Sabatier, Toulouse III)

Licence 3 BOPE : Zoologie (TP, 40h)

Licence 3 BOPE : Écologie et Biologie Quantitative (TD, 12h)

Licence 3 BOPE : Biologie Évolutive (TD, 16h)

Formation interne au laboratoire EDB : Application des méthodes ABC (« approximate Bayesian computation »), co-organisée avec Lounès Chikhi (1 jour)

2010 - 2011 : 67h (Université Paul Sabatier, Toulouse III)

Licence 3 BOPE : Classification et Identification des Métazoaires (TP, 37h)

Licence 3 BOPE : Écologie et Biologie Quantitative (TD, 12h)

Licence 3 BOPE : Biologie Évolutive (TD, 8h)

Licence 1 Sciences (option pluridisciplinaire) : Modélisations Mathématiques en Biologie, Chimie et Physique (TD, 6h ; TP, 4h)

Activités scientifiques diverses

Participation active à des groupes de travail internationaux

2024 - présent : Membre du « Management Committee » pour la France, du « Core Group » et co-leader du WP3 (avec la Dr. Myriam Heuertz) de l'action de coopération européenne en science et technologie (COST) CA 23121 « [GENOA](#) » Coordinatrice : Ancuta Fedorca.

2024 - présent : Membre du Groupe de Travail de l'Action 5 « Diversité génétique et fonctionnelle » du défi Scientifique du PEPR « [SOLU-BIOD](#) ». Coordinateurs : Philippe Jarne et Frédérique Viard

2020 - 2024 : Membre de l'action de coopération européenne en science et technologie (COST) CA 18134 « [G-Bike](#) » Coordinateur : Cristiano Vernesi.

Septembre 2018 - présent : Membre du « [Group on Earth Observations Biodiversity Observation Network \(GEO BON\) Genetic composition working group](#) ». Coordinateurs : Sean Hoban, Margaret Hunter et Anna MacDonald.

2017 - présent : Membre du « [Scientific Working Group on European Catfish](#) ». Coordinateur : Frédéric Santoul.

2010 - 2013 : Participation au projet Européen [IMPACT](#), financé par la Commission Européenne au travers du programme RTD « IWRM-net ». Coordinateurs : Jochem Kail et Christian Wolter. Responsable français : Gaël Grenouillet.

Participation à des projets de recherche financés en cours ou à venir / Autres activités

2025 – 2027 : Membre du futur « Knowledge Hub » en lien avec l'Action 5 « Diversité génétique et fonctionnelle » du défi Scientifique du PEPR « SOLU-BIOD ». Formation du KH en cours. Coordinateurs : Philippe Jarne et Frédérique Viard.

2023 - présent : Collaborateur du projet de Suivi scientifique de la restauration du Rhône « [RhôneEco](#) »

2022 - 2024 : Contribution en tant que membre du « steering committee » et comme post-doctorant associé au projet du « John Wesley Powell Center for Analysis and Synthesis » intitulé « [Standardizing, aggregating and disseminating wildlife genetic and genomic data for improved management and advancement of community best practices](#) ». Coordinateurs : Margaret E. Hunter, Amy Vandergast, Sean Hoban, W. Chris Funk.

2021 - 2025 : Participation au projet « [CRAYMAP](#) : Crayfish invasions across time and space, a multidisciplinary approach », financé par le Ministère de la Science et de l'innovation du Gouvernement Espagnol (« Proyectos de I+D+i 2020 »). Coordinateur : Miguel Clavero.

Participation à des comités de sélection pour des appels d'offres compétitifs

09/07/2024 : Évaluation d'un projet pour l'appel à **projets structurants de la FR BioEEnViS**.

24/06/2020 : Évaluation d'un **projet de recherche** pour l'appel d'offres « Joint Microsoft - Geo Bon grant program [EBVs on the Cloud](#) »

11/11/2016 : Participation en tant que membre expert au comité de sélection de l'appel à candidatures pour l'obtention d'**aides à la mobilité scientifique des chercheurs andorrans**. Concours organisé par le Ministère de l'Éducation et de l'Enseignement supérieur de la Principauté d'Andorre.

Encadrement d'étudiants

11/09/2024 - 11/12/2024 : Sophia Hibler, étudiante en thèse à l'Université de Barcelone et à l'IRTA de la Ràpita (Espagne). Accueil au LEHNA pour 3 mois sous ma responsabilité pour se former à l'analyse de données génétiques de type SSRseq.

08/01/2024 - 08/07/2024 : Mathieu Dall'Agnol, Stage de Master 2 EAUbe. *Etude de l'occurrence et de l'état de conservation d'une population relictuelle d'écrevisses à pattes blanches (Austropotamobius pallipes) dans le contexte de restauration du ruisseau des Razes*. Co-supervision avec Frédéric Grandjean (Laboratoire EBI, Poitiers, France).

05/10/2022 - 30/01/2023 : Gaëlle Brahy, bourse européenne Erasmus+ pour la mobilité des étudiants. *Estimating genetic diversity indicators in relation to the Global Biodiversity Framework of the CBD*. Co-supervision avec Myriam Heuertz (INRAE BioGeCo, Cestas, France).

19/09/2022 - 18/10/2022 : Roberta Gargiulo, post-doctorante aux « Royal Botanic Gardens » de Kew (Royaume-Uni) en Mission scientifique de courte durée (STSM). *Testing of genetic indicators for implementation within the Convention on Biological Diversity*. STSM financé par l'action de coopération européenne en science et technologie (COST) CA 18134 « G-Bike ». Co-supervision avec Myriam Heuertz (INRAE BioGeCo, Cestas, France).

11/01/2021 - 10/07/2021 : Flavien Garcia, Stage de Master 2 Écologie et Évolution. *Intraspecific variability and fish community assembly in neo-ecosystems*. Co-supervision avec Julien Cucherousset (UPS, Toulouse, France).

07/01/2020 - 26/06/2020 : Paul Castagné, Stage de Master 2 en Écologie et Évolution. *Genetic diversity and structure of native and non-native populations of European catfish (*Silurus glanis* L.) at the European scale*. Co-supervision avec Frédéric Santoul (UPS, Toulouse, France).

07/01/2013 - 28/06/2013 : Lisa Fourtune, Stage de Master 2 Modélisation des systèmes écologiques. *Using causal analyses in population genetics: synthesis and perspectives*. Co-supervision avec Simon Blanchet (UPS, Toulouse, France).

30/01/2012 - 01/06/2012 : Lisa Fourtune, Stage de Master 1 Écologie. *Status of a parasite species supposed non-native: Inferences from molecular data*. Co-supervision avec Simon Blanchet (UPS, Toulouse, France).

06/12/2010 - 17/12/2010 : Alice Martin, stage volontaire de Licence. *Introduction aux techniques de biologie moléculaire*. Co-supervision avec Géraldine Loot (UPS, Toulouse, France).

Tutorat pédagogique d'étudiants en alternance et/ou en stage

2024-2025 : Maëva Dardanne (L3 PRO ATIB), stage d'alternance au PNR de la Brenne (Rosnay). Maya GRIMONET (M2 BEE), stage d'alternance à la CNR (Villeurbanne) ; Léna MUGNIER (M2 BEEB), stage d'alternance au CEN Rhône Alpes (Vourles), Apolline Sevelinge (M2 EAUBe), stage de fin d'année à VetAgro Sup Campus vétérinaire de Lyon, Prunelle Cochet (M2 EAUBe), de fin d'année chez APINOV (Lagord).

2023-2024 : Soline DAVY (L3 PRO ATIB), stage d'alternance au CONIB (Condrieu). Maya GRIMONET (M1 BEE), stage d'alternance à la CNR (Villeurbanne) ; Marion Volle (M2 BEEB), stage d'alternance à la DREAL Occitanie (Toulouse), Tano Caperna (L3 PRO ATIB), stage de fin d'année au CPIE du Cotentin, Thomas Lucet (M2 BEEB), stage à la DR AURA de l'OFB (Bron).

Participation à des comités de pilotage de thèses

13/06/2024 : Membre évaluateur du « Progress Monitoring Commission » de la thèse de Sophia Hibler (UB, Barcelone, Espagne). Directeurs de thèse : Drs. Núria Cid et Carles Alcaraz (IRTA – La Ràpita, Espagne)

08/08/2020 : Membre évaluateur du comité de pilotage prédoctoral de Norma Edith Martinez Lendech (UAEM, Cuernavaca, Mexico). Directeur de thèse : Norman Mercado Silva.

21/01/2020 : Membre du deuxième comité de thèse d'Iris Lang. Co-directeurs de thèse : Julien Cucherousset et Géraldine Loot.

22/05/2018 : Membre du premier comité de thèse d'Iris Lang. Co-directeurs de thèse : Julien Cucherousset et Géraldine Loot.

08/04/2015 : Membre du premier comité de thèse de Lisa Fourtune. Co-directeurs de thèse : Simon Blanchet et Géraldine Loot.

Organisation de congrès scientifiques

2024 : Contribution à la sélection de résumés pour le Congrès International de la Société Française d'Ecologie et d'Evolution SFE² (21-24 Octobre 2024, Lyon, France) et modérateur d'une session de présentations orales (« Conservation Ecology »)

2011 : Membre du Comité d'Organisation du 33^{ème} colloque du Groupe d'Études de Biologie et Génétique des Populations « Petit Pois Dérédés 2011 », Toulouse, France.

Participation à des comités de relecture d'articles et de projets scientifiques

J'ai participé aux comités de relecture de **51 manuscrits** pour les journaux suivants : *Molecular ecology* (8 manuscrits), *Journal of applied ecology* (5), *Biological conservation* (4), *Journal of fish biology* (3), *Ecography* (2), *BMC ecology* (2), *Journal of heredity* (2), *Cybiuim* (2), *Knowledge & management of aquatic ecosystems* (2), *Zoologischer anzeiger* (2), *Trends in ecology and evolution* (2), *Global Ecology and Biogeography* (2), *Conservation biology* (2), *Scientific reports* (1), *Heredity* (1), *Freshwater biology* (1), *Annales zoologici fennici* (1), *Annales de Limnologie* (1), *Italian journal of zoology* (1), *Conservation genetics* (2), *Ecological indicators* (1), *Evolutionary Applications* (2), *Molecular Ecology Resources* (1) et *Proceedings of the Royal Society B: Biological sciences* (1). [Voir profil « publons »](#)

J'ai effectué **trois relectures de manuscrits** dans le cadre des processus internes de validation à suivre par des auteurs du US Geological Survey, et j'ai participé à l'évaluation d'**un projet de recherche** pour l'appel d'offres « Joint Microsoft - Geo Bon grant program [EBVs on the Cloud](#) » (Mai - Juin 2020).

Bourses, récompenses et projets financés

17/01/2024 : **Financement du projet** « Évaluation de la capacité des méthodes d'ADN environnemental à estimer la diversité génétique intraspécifique à l'échelle des populations » lors de l'appel à projets « Accueil Enseignants-Chercheurs 2024 » de l'UCBL1 (14 536,61 euros)

30/11/2022 : Obtention d'une bourse de mobilité **Short-Term Scientific Mission (STSM)** accordée par l'action de coopération européenne en science et technologie (COST) CA 18134 « G-Bike » (E-COST-GRANT-CA18134-5a4485eb ; 4000 euros).

16/07/2019 : Obtention d'une **allocation de 35000 heures de calcul intensif** (projet p19047) à utiliser dans les supercalculateurs du Groupe CALMIP (« Calcul en Midi-Pyrénées », Toulouse, France).

19/03/2019 : Obtention du « **Seal of Excellence for a High-Quality Project Proposal** during Horizon 2020 - MSCA actions (2018 call) » accordé par la Commission Européenne.

05/12/2018 : **Bourse de mobilité** pour chercheurs andorrans, accordée par le « Ministeri d'Educació i Ensenyament Superior » du Gouvernement de la Principauté d'Andorre (bourse AM069-AND-2018 ; 572,50 euros). *Participation au congrès Évolution 2018, Montpellier, France.*

15/05/2018 : Obtention d'une **allocation de 15000 heures de calcul intensif** (projet meso-2018-450-B) à utiliser dans le supercalculateur du Mésocentre Aix-Marseille Université, Marseille, France.

29/11/2017 : **Bourse de mobilité** pour chercheurs andorrans, accordée par le « Ministeri d'Educació i Ensenyament Superior » du Gouvernement de la Principauté d'Andorre (bourse AM057-AND-2017 ; 1026 euros). *Séjour d'un mois en tant que chercheur invité au « Laboratori d'ictiologia genètica » de l'Université de Gérone en Espagne.*

2010 - 2015 : Obtention d'une **allocation de +200000 heures de calcul intensif** (projet p1003) à utiliser dans les supercalculateurs du Groupe CALMIP (« Calcul en Midi-Pyrénées », Toulouse, France).

01/07/2011 : « **3rd Award for the Best Student Oral Presentation** » au congrès SEFS 2011 - Symposium for European Freshwater Sciences 2011, Gérone, Espagne.

01/10/2010 - 31/09/2013 : Obtention d'une **bourse de thèse** accordée par le Ministère de l'Enseignement Supérieur et de la Recherche du Gouvernement de la République Française lors du concours annuel organisé par l'école doctorale SEVAB - UPS, Toulouse, France (Contrat Doctoral UPS n°2010-62).

Diffusion de la culture scientifique / Apparition dans les médias

2020-2024 : Co-écriture et traduction de l'anglais vers le français, l'espagnol et le catalan de plusieurs notes de politique résumant des travaux de recherche menés avec G-Bike et GEO BON (*disponibles [ici](#)*).

6/12/2022 - 20/12/2022 : Co-organisation d'un [événement parallèle](#) et tenue d'un stand d'information sur la diversité génétique lors de la COP15 de la Convention pour la Diversité Biologique (Montréal, Canada). *Résumé des activités disponible [ici](#) (en anglais)*.

14/11/2022 : Participation à l'organisation et présentation orale lors du webinaire « Genetic diversity and the CBD post-2020 global biodiversity framework » co-organisé par le secrétariat de la Convention pour la Diversité Biologique, GEO BON, G-Bike et la « Coalition for Conservation Genetics ». *Webinaire disponible [ici](#) (en anglais, min 34:22). Présentation traduite en [Espagnol](#) et en [Français](#)*.

20/08/2018 : Participation à l'évènement de diffusion de la culture scientifique « Bavardages évolutifs ». *Speed meeting entre le public général et 40 scientifiques participant au congrès Évolution 2018 de Montpellier, France*.

03/04/2018 : Participation au projet « Le Cabinet des Curiodiversités » de l'IRES (Institut de Recherche pour l'Enseignement des Sciences), en collaboration avec Frédéric Santoul, Stéphanie Boulêtreau et Frédéric Azémar. *Démonstration de pêches électriques et initiation d'élèves de primaire à l'identification de poissons d'eau douce du canal du midi à Toulouse*.

*Article de presse associé : « [À la recherche d'une arête dans le bifteck](#) » publié dans le journal local hebdomadaire « **Le petit Journal** » (11/04/2018 - auteur : Sylvie Brot).*

04/03/2018 : Interview pour le supplément dominical « DMG » du journal national andorran « **Diari d'Andorra** ».

Article de presse associé : « [L'Hora dels Millennials - Joves científics i investigadors](#) », (04/03/2018 - auteur : Júlia Trullà ; en catalan).

2015 (novembre) : Interview pour « **Exploreur : magazine scientifique de l'Université Fédérale Toulouse Midi-Pyrénées** » n°2.

Article de presse associé : « En route vers le Big Data » (auteur : Pascal Nguyen, p.26-27)

PRODUCTIONS SCIENTIFIQUES

Publications scientifiques en tant qu'auteur ou co-auteur dans des journaux indexés à comité de relecture

37) Fedorca A, Mergeay J, Akinyele AO, Albayrak T, Biebach I, Brambilla A, Burger PA, Buzan E, Curik I, Gargiulo R, Godoy JA, Gonzalez-Martinez S, Grossen C, Heuertz M, Hoban S, Howard-McCombe J, Kachamakova M, Klinga P, Köppä V, Neugebauer E, **Paz-Vinas I**, Pearman PB, Pérez-Sorribes L, Rinkevich B, Russo I-RM, Theraroz A, Thomas NE, Westergren M, Winter S, Laikre L, Kopatz A (2024). Dealing with the complexity of effective population size in conservation practice. *Evolutionary Applications* (sous presse)

36) Hoban S, Hvilsom C, Abdeldjalil A, Aleixo A, Biala K, Ekblom R, Fedorca A, Funk WC, Goncalves A, Gonzalez A, Heuertz M, Hughes A, Ishihama F, Kalamujić Stroil B, Laikre L, Millette K, O'Brien D, **Paz-Vinas I**, Rincon-Parra VJ, Robuchon M, Rodriguez JP, Rodriguez-Morales MA, Segelbacher G, Straza TAR, Susanti R, Tshidada N, Torres Vilaça S, da Silva J (2024). How can biodiversity strategy and action plans incorporate genetic diversity concerns, plans, policies, capacity, and commitments? *BioScience* [biae106](#)

35) Hoban S, **Paz-Vinas I**, Shaw RE, Castillo-Reina L, Da Silva JM, Dewoody AJ, Ekblom R, Fedorca A, Forester BR, Funk WC, Geue JC, Heuertz M, Hollingsworth PM, Hugues AC, Hunter ME, Hvilsom C, Ishihama F, Jordan R, Kalamujić Stroil B, Kershaw F, Khoury CK, Köppä V, Laikre V, Macdonald AJ, Mastretta-Yanes A, Meek MH, Mergeay J, Millette KL, O'Brien D, Rincon-Parra VJ, Rodriguez-Morales A, Schuman MC, Segelbacher G, Sunnucks P, Taylor RS, Thurfjell H, Vernesi C, Grueber C. (2024). DNA-based studies and genetic indicator assessments are complementary approaches to conserving evolutionary potential. *Conservation Genetics* 25:1147-1153

34) Mastretta-Yanes A, Suárez S, Jordan R, Hoban S, da Silva JM, Castillo-Reina L, Heuertz M, Ishihama F, Köppä V, Laikre L, MacDonald AJ, Mergeay J, **Paz-Vinas I**, Segelbacher G, Knapps A, Rakoczy H, Weiler A, Angelica A, Cullmann K, Bagnato S, Forester BR (2024). Guideline materials and documentation for the Genetic Diversity Indicators of the monitoring framework for the Kunming-Montreal Global Biodiversity Framework. *Biodiversity Informatics* 18:24-27

33) Mastretta-Yanes A, Da Silva J, Grueber C, Castillo-Reina L, Köppä V, Forester B, Funk WC, Heuertz M, Ishihama F, Jordan R, Mergeay J, **Paz-Vinas I**, Rincon-Parra V, Rodriguez-Morales M, Arredondo-Amezcuca L, Brahy G, DeSaix M, Durkee L, Hamilton A, Koontz A, Lang I, Latorre MC, Latty T, Llanes-Quevedo A, MacDonald A, Mahoney M, Miller C, Ornelas J, Ramírez-Barahona S, Robertson E, Russo I-R, Arcila Santiago M, Shaw R, Shea G, Sjögren-Gulve P, Spence E, Stack T, Suárez S, Takenaka A, Thurfjell H, Turbek S, Van Der Merwe M, Visser F, Wegier A, Wood G, Zarza E, Laikre L, Hoban S (2024). Multinational evaluation of genetic diversity indicators for the Kunming-Montreal Global Biodiversity Monitoring framework. *Ecology letters* 27:e14461

32) Leigh D, Vandergast A, Hunter M, Crandall E, Funk WC, Garroway C, Hoban S, Oyler-McCance S, Rellstab C, Segelbacher G, Schmidt C, Vázquez-Domínguez E, **Paz-Vinas I** (2024). Best practices for genetic and genomic data archiving. *Nature Ecology and Evolution* 8:1224-1232

31) Gargiulo R, Decroocq V, González-Martínez S, **Paz-Vinas I**, Aury J-M, Lesur Kupin I, Plomion C, Schmitt S, Scotti I, Heuertz M (2024). Estimation of contemporary effective population size in plant populations: limitations of genomic datasets. *Evolutionary Applications* 17:e13691

30) Hoban S, Da Silva JM, Hughes A, Hunter ME, Kalamujić Stroil B, Laikre L, Mastretta-Yanes A., Millette K, **Paz-Vinas I**, Ruiz Bustos L, Shaw RE, Vernesi C, the Coalition for Conservation Genetics (2024). Too simple, too complex, or just right? Advantages, challenges, and guidance for indicators of genetic diversity. *BioScience* [biae006](#)

- 29) Pearman PB, Broennimann O, Aavik T, Albayrak T, Alves P, Aravanopoulos F, Bertola L, Biedrzycka A, Buzan E, Cubric-Curik V, Djan M, Fedorca A, Fuentes-Pardo A, Fussi B, Godoy J, Gugerli F, Hoban S, Holderegger R, Hvilsum C, Iacolina L, Kalamujic-Stroil B, Klinga P, Konopiński M, Kopatz A, Laikre L, Lopes-Fernandes M, McMahon B, Mergeay J, Neophytou C, Pálsson S, **Paz-Vinas I**, Posledovich D, Primmer C, Raeymaekers J, Rinkevich B, Rolečková B, Ruņģis D, Schuerz L, Segelbacher G, Kavčič Sonnenschein K, Stefanović M, Thurfjell H, Träger S, Tsvetkov I, Velickovic N, Vergeer P, Vernesi C, Vilà C, Westergren M, Zachos F, Guisan A, Bruford M (2024) Monitoring species genetic diversity in Europe varies greatly and overlooks potential climate change impacts. [Nature Ecology and Evolution 8:267-281](#)
- 28) Pearman PB, Zachos FE, **Paz-Vinas I** (2024) European monitoring of genetic diversity must expand to detect impacts of climate change. [Nature Ecology and Evolution \(Research Briefing\) 8:194–195](#)
- 27) Hoban S, da Silva JM, Mastretta-Yanes A, Grueber CE, Heuertz M, Hunter ME, Mergeay J, **Paz-Vinas I**, Fukaya K, Ishihama F, Jordan R, Latorre MC, MacDonald AJ, Rincon-Parra V, Sjögren-Gulve P, Tani N, Thurfjell H, Laikre L (2023) Monitoring status and trends in genetic diversity for the Convention on Biological Diversity: An ongoing assessment of genetic indicators in nine countries. [Conservation Letters 16:e12953](#)
- 26) Castagné P, **Paz-Vinas I**, Boulêtreau S, Ferriol J, Loot G, Veyssièrre C, Arlinghaus R, Britton R, Chiarello M, Garcia-Berthou E, Horký P, Nicolas D, Nocita A, Nordahl O, Ovidio M, Ribeiro F, Slavík O, Vagnon C, Blanchet S, Santoul F (2023) Patterns of genetic variation in native and non-native populations of European catfish *Silurus glanis* across Europe. [Biodiversity and Conservation 32:2127-2147](#).
- 25) Garcia F, **Paz-Vinas I**, Gaujard A, Olden JD, Cucherousset J (2023) Multiple lines and levels of evidence for avian zoochory promoting fish colonization of artificial lakes. [Biology Letters 19:20220533](#)
- 24) Hoban S, Bruford MW, da Silva JM, Funk WC, Frankham R, Gill MJ, Grueber CE, Heuertz M, Hunter ME, Kershaw F, Lacy RC, Lees C, Lopes-Fernandes M, MacDonald AJ, Mastretta-Yanes A, McGowan PJK, Meek MH, Mergeay J, Millette KL, Mittan-Moreau CS, Navarro LM, O'Brien D, Ogden R, Segelbacher G, **Paz-Vinas I**, Vernesi C, Laikre L (2023) Genetic diversity goals and targets have improved, but remain insufficient for clear implementation of the post-2020 global biodiversity framework. [Conservation Genetics 24:181-191](#)
- 23) Schmidt C, Hoban S, Hunter ME, **Paz-Vinas I**, Garroway CJ (2023) Genetic diversity and IUCN Red List status. [Conservation Biology 37:e14064](#)
- 22) Arranz I, Nobre R, Cucherousset J, Reis de Carvalho A, Cantarute-Rodrigues A, Favriou P, Garcia F, Gimenez M, Imbert A, Marin V, **Paz-Vinas I** (2022) Promoting lab culture to enhance academic resilience during crises. [Ecology and Evolution 12:e8986](#)
- 21) Hoban S, Archer FI, Bertola LD, Bragg JG, Breed MF, Bruford MW, Coleman MA, Ekblom R, Funk WC, Grueber CE, Hand BK, Jaffé R, Jensen E, Johnson JS, Kershaw F, Liggins L, MacDonald AJ, Mergeay J, Miller JM, Muller-Karger F, O'Brien D, **Paz-Vinas I**, Potter KM, Razgour O, Vernesi C, Hunter ME (2022) Global genetic diversity status and trends: towards a suite of Essential Biodiversity Variables (EBVs) for genetic composition. [Biological Reviews 97:1511-1538](#)
- 20) Leigh DM, Van Rees CB, Millette KL, Breed MF, Schmidt C, Bertola LD, Hand BK, Hunter ME, Jensen EL, Kershaw F, Liggins L, Luikart G, Manel S, Mergeay J, Miller JM, Segelbacher G, Hoban S, **Paz-Vinas I** (2021) Opportunities and challenges of macrogenetic studies. [Nature Reviews Genetics 22:791-807](#)
- 19) **Paz-Vinas I**, Lang I, Millet P, Veyssièrre C, Loot G, Cucherousset J (2021) Inference of local invasion pathways in two invasive crayfish species. [Journal of Applied Ecology 58:2854-2865](#)
- 18) Lang I, **Paz-Vinas I**, Cucherousset J, Loot G (2021) Patterns and determinants of phenotypic variability within two invasive crayfish species. [Freshwater Biology 66:1782-1798](#)

- 17) **Paz-Vinas I**, Jensen EL, Bertola LD, Breed MF, Hand BK, Hunter ME, Kershaw F, Leigh DM, Luikart G, Mergeay J, Miller JM, Van Rees CB, Segelbacher G, Hoban S (2021) Macrogenetic studies must not ignore limitations of genetic markers and scale. [Ecology letters 24:1282-1284](#)
- 16) Hoban S, Campbell CD, da Silva JM, Ekblom R, Funk WC, Garner BA, Godoy JA, Kershaw F, MacDonald AJ, Mergeay J, Minter M, O'Brien D, **Paz-Vinas I**, Pearson SK, Pérez-Espona S, Potter KM, Russo I-RM, Segelbacher G, Vernesi C, Hunter ME (2021) Genetic diversity is considered important but interpreted narrowly in country reports to the Convention on Biological Diversity: Current actions and indicators are insufficient. [Biological conservation 261:109233](#)
- 15) Laikre L, Hohenlohe PA, Allendorf FW, Bertola LD, Breed MF, Bruford MW, Funk WC, Gajardo G, González-Rodríguez A, Grueber CE, Hedrick PW, Heurtz M, Hunter ME, Johannesson K, Liggins L, MacDonald AJ, Mergeay J, Moharrek F, O'Brien D, Ogden R, Orozco-terWengel P, Palma-Silva C, Pierson J, **Paz-Vinas I**, Russo, I-RM, Ryman N, Segelbacher G, Sjögren-Gulve P, Waits LP, Vernesi C, Hoban S (2021) Authors' Reply to Letter to the Editor: Continued improvement to genetic diversity indicator for CBD. [Conservation genetics 22:533-536](#)
- 14) Hoban S, **Paz-Vinas I**, Aitken S, Bertola LD, Breed M, Bruford M, Funk WC, Grueber CE, Heurtz M, Hohenlohe PA, Hunter ME, Jaffé R, Lopes-Fernandes M, Mergeay J, Moharrek F, O'Brien D, Segelbacher G, Vernesi C, Waits L, Laikre L (2021) Effective population size remains a suitable, pragmatic indicator of genetic diversity for all species, including forest trees. [Biological conservation 253:108906](#)
- 13) Hoban S, Bruford M, D'Urban Jackson J, Lopes-Fernandes M, Heurtz M, Hohenlohe PA, **Paz-Vinas I**, Sjögren-Gulve P, Segelbacher G, Vernesi C, Aitken S, Bertola LD, Bloomer P, Breed M, Rodríguez-Correa H, Funk WC, Grueber CE, Hunter ME, Jaffé R, Liggins L, Mergeay J, Moharrek F, O'Brien D, Ogden R, Palma-Silva C, Pierson J, Ramakrishnan U, Simo-Droissart M, Tani N, Waits L, Laikre L (2020) Genetic diversity targets and indicators in the CBD post-2020 Global Biodiversity Framework must be improved. [Biological conservation 248:108654](#)
- 12) Blanchet S*, Prunier JG*, **Paz-Vinas I***, Saint-Pé K, Rey O, Raffard A, Mathieu-Bégné E, Loot G, Fournelle L, Dubut V (2020) A river runs through it: The causes, consequences, and management of intraspecific diversity in river networks. [Evolutionary applications 13:1195-1213](#)
* Co-premiers auteurs
- 11) Chiarello M, **Paz-Vinas I**, Veyssièrre C, Santoul F, Loot G, Ferriol J, Boulêtreau S (2019) Environmental conditions and neutral processes shape the skin microbiome of European catfish (*Silurus glanis*) populations of Southwestern France. [Environmental microbiology reports 11:605-614](#)
- 10) Mathieu-Bégné E, Loot G, Chevalier M, **Paz-Vinas I**, Blanchet S (2018) Demographic and genetic collapses in spatially structured populations: Insights from a long-term survey in wild fish metapopulations. [Oikos 128:196-207](#)
- 9) **Paz-Vinas I**, Loot G, Hermoso V, Veyssièrre C, Poulet N, Grenouillet G, Blanchet S (2018) Systematic conservation planning for intraspecific genetic diversity. [Proceedings of the Royal Society B 285:20172746](#)
- 8) Fournelle L, Prunier J, Loot G, Veyssièrre C, **Paz-Vinas I**, Blanchet S (2018) Inferring causalities in landscape genetics: An extension of Wright's causal modeling to distance matrices. [The American Naturalist 191:491-508](#)
- 7) Fournelle L, **Paz-Vinas I**, Loot G, Prunier JG, Blanchet S (2016) Lessons from the fish: A multi-species analysis reveals common processes underlying similar species-genetic diversity correlations. [Freshwater Biology 61:1830-1845](#)
- 6) Rey O*, Fournelle L*, **Paz-Vinas I***, Loot G, Veyssièrre C, Roche B, Blanchet S (2015) Elucidating the spatio-temporal dynamics of an emerging wildlife pathogen using approximate Bayesian computation. [Molecular Ecology 24:5348-5363](#)

* *Co-premiers auteurs*

- 5) **Paz-Vinas I**, Loot G, Stevens VM, Blanchet S (2015) Evolutionary processes driving spatial patterns of intraspecific genetic diversity in river ecosystems. [Molecular Ecology 24:4586-4604](#)
- 4) **Paz-Vinas I**, Blanchet S (2015) Dendritic connectivity shapes spatial patterns of genetic diversity: A simulation-based study. [Journal of Evolutionary Biology 28:986-994](#)
- 3) Pauls SU, Alp M, Balint M, Bernabo P, Čiampor F, Čiamporová-Zaťovičová Z, Finn D, Kohout J, Leese F, Lencioni V, **Paz-Vinas I**, Monaghan MT (2014) Integrating molecular tools into freshwater ecology: Developments and opportunities. [Freshwater Biology 59:1559-1576](#)
- 2) **Paz-Vinas I**, Comte L, Chevalier M, Dubut V, Veyssière C, Grenouillet G, Loot G, Blanchet S (2013) Combining genetic and demographic data for prioritizing conservation actions: Insights from a threatened fish species. [Ecology and Evolution 3:2696-2710](#)
- 1) **Paz-Vinas I**, Quéméré E, Chikhi L, Loot G, Blanchet S (2013) The demographic history of populations experiencing asymmetric gene flow: Combining simulated and empirical data. [Molecular Ecology 22:3279-3291](#)

Publications scientifiques en tant que cosignataire ou non évaluées par un comité de relecture

- 4) **Paz-Vinas I (sous presse)** Reptes per protegir la biodiversitat d'aigua dolça a múltiples escales en un context de canvis globals accelerats. *Aigua: Desafiaments i oportunitats. Recull de ponències dels 16ns Debats de recerca de la Societat Andorrana de Ciències*. Editeur : Societat Andorrana de Ciències (SAC)
- 3) Garcia F, **Paz-Vinas I**, Gaujard A, Olden J, Cucherousset J. (2023). Avian zoochory is a probable pathway of European perch colonization in artificial lakes: a reply to Vasemägi et al (2023). **Pré-publication (EcoEvoRxiv)** <https://doi.org/10.32942/X2SS3T>
- 2) Ripple WJ, Wolf C, Newsome TM, Barnard P, Moomaw WR, **et 11 258 scientifiques co-signataires* de 153 pays (2020)**. World scientists' warning of a climate emergency. [BioScience 70:8-12](#)
* *Co-signataire*

- 1) O'Brien D, Hunter M, Breed M, Bertola L, Ogden R, Palma-Silva C, **Paz-Vinas I**, Segelbacher G, Hoban S, Jaffé R (2020) Proposed species extinction target fails to capture the diversity in biodiversity. **eLetter en réponse à l'article de Rounsevell et al. (2020) A biodiversity target based on species extinctions** publié dans [Science 368:1193-1195](#)

Publications soumises, en révision et/ou disponibles en tant que pré-publications

- 4) O'Brien D, Aavik T, Fischer MC, Goffaux R, Hoban S, Hollingsworth P, Hvilsom C, Jehle R, Kalamujić Stroil B, Kershaw F, Klinga P, Kopatz A, Leigh D, Paz-Vinas I, Robuchon M, Segelbacher G, Takacs V, Vernesi C, Laikre L (submitted) Restoring genetic diversity : A way to facilitate the implementation of the EU Nature Restoration Law. **Pré-publication (SSRN)** <http://dx.doi.org/10.2139/ssrn.4945834>
→ *En cours d'évaluation après corrections majeures dans Biological Conservation*
- 3) **Paz-Vinas I**, Loot G, Boulêtreau S, Chiarello M, Veyssière C, Ferriol J, Santoul F (2024). Genetic-based inference of densities, effective and census sizes of expanding riverine meta-populations of an invasive large-bodied freshwater fish (*Silurus glanis* L.). **Pré-publication (BioRxiv)** <https://doi.org/10.1101/2024.04.05.588309>
→ *En révision pour resoumission à Evolutionary Applications*

2) Schmidt C, Karachaliou E, Vandergast A, Crandall E, Falgout J, Hunter M, Kershaw F, Leigh D, O'Brien D, **Paz-Vinas I**, Segelbacher G, Garroway C (2024). The global protected area network does not harbor genetically diverse populations. *Pré-publication (EcoEvoRxiv)*

<https://ecoevorxiv.org/repository/view/6966/>

→ En cours d'évaluation après corrections majeures dans *Conservation letters*

1) **Paz-Vinas I**, Vandergast A, Schmidt C, Leigh DM, Blanchet S, Clark RD, Crandall ED, De Kort H, Falgout J, Garroway CJ, Karachaliou E, Kershaw F, O'Brien D, Pinsky ML, Segelbacher G, Hunter ME (2023). Uneven genetic data limits biodiversity assessments in protected areas globally. *Pré-publication (EcoEvoRxiv)*

<http://doi.org/10.32942/X2ZC84>

→ En révision pour resoumission à *Frontiers in Ecology and the Environment*

Rapports techniques

2024 : Olivier J-M, Lamouroux N, Castella E, Forcellini M, Lebrun C, Riquier J, Bouloy A, Carrel G, Logez M, Mayor H, Marle P, **Paz-Vinas I**, Piégay H, Santos R, Tissot N, Azougui A, Capra H, Launay B, Le Goff G, Marchand A, Mouthon J, Pella H, Dadure R, Cousin B, Garcia N, Tocaben M. [Synthèse du programme RhôneEco \(1998 – 2023\) et recommandations](#). Financiers : CNR, EDF, Région PACA, Région AURA, Syndicat du Haut-Rhône, Plan Rhône Saône, Union Européenne.

2024 : Olivier J-M, Lamouroux N, Castella E, Forcellini M, Lebrun C, Riquier J, Bouloy A, Carrel G, Logez M, Mayor H, Marle P, **Paz-Vinas I**, Piégay H, Santos R, Tissot N, Azougui A, Capra H, Launay B, Le Goff G, Marchand A, Mouthon J, Pella H, Dadure R, Cousin B, Garcia N, Tocaben M. [Rapport scientifique du programme RhôneEco \(1998 – 2023\)](#). Financiers : CNR, EDF, Région PACA, Région AURA, Syndicat du Haut-Rhône, Plan Rhône Saône, Union Européenne.

2022 : **Paz-Vinas I**, Loot G, Cucherousset J. DISPERSINVA : [Étude des patrons d'invasion des espèces exotiques envahissantes animales dans le réseau hydrographique de la Garonne](#). Financier : AEAG

2019 : **Paz-Vinas I**, Santoul F. [Estimation de la biomasse de migrateurs anadromes consommée par le silure glane \(*Silurus glanis* L.\) dans la partie aval de la Garonne : approche par couplage de modélisations génétiques et bio-énergétiques](#). Financiers : SMEAG - AEAG

2018 : **Paz-Vinas I**, Santoul F. [Le silure glane \(*Silurus glanis* L.\) : Connaissances et estimation des stocks dans le bassin de la Garonne](#). Financiers : UFBAG - AEAG

2016 : **Paz-Vinas I**, Dubut V, Grenier R, Costedoat C. [TOXEVOL : Histoire évolutive du toxostome \(*Parachondrostoma toxostoma*\) et état écologique du milieu](#). (p. 1-61). Financier : ONEMA

2014 : **IMPACT Project Consortium**. [IMPACT - Developing an integrated model to predict abiotic habitat conditions and biota of rivers for application in climate change research and water management](#). Participation à la rédaction du rapport final (p. 62-71). Financier : IWRM-NET - Commission Européenne

Communications Orales

J'ai effectué **19 communications orales lors de conférences scientifiques internationales et nationales, 14 communications orales lors de séminaires en tant qu'invité** dans différentes structures et **plusieurs communications orales lors de réunions de travail** (« workshops ») en relation avec divers projets dont les projets Européens IMPACT et G-Bike (à Toulouse, Essen, Berlin et Brasov).

Communications orales lors de conférences internationales

11/11/2024 : **Paz-Vinas I** - *Reptes per protegir la biodiversitat d'aigua dolça a multiples escales en un context de canvis globals accelerats*. **16ns Debats de recerca de la Societat Andorrana de Ciències**. **Aigua: Desafiaments i oportunitats**. Andorre la Vieille, Principauté d'Andorre.

23/10/2024 : Paz-Vinas I - *Uneven genetic data limits biodiversity assessments in protected areas globally*. **Congrès International de la Société Française d'Ecologie et d'Evolution SFE²**, Lyon, France.

19/06/2024 : Paz-Vinas I - *From Science to Policy : the long journey of genetic diversity indicators*. **7th European Congress of Conservation Biology ECCB 2024**, Bologne, Italie.

18/06/2024 : Paz-Vinas I, Brenna Forester - *Conserving genetic diversity of at-risk species across the data-availability spectrum*. **7th European Congress of Conservation Biology ECCB 2024**, Bologne, Italie.

18/06/2024 : Paz-Vinas I - *Uneven genetic data limits biodiversity assessments in protected areas globally*. **7th European Congress of Conservation Biology ECCB 2024**, Bologne, Italie.

06/07/2020 : Paz-Vinas I, Jensen EL, Bertola LD, Breed MF, Hand BK, Hunter ME, Kershaw F, Leigh DM, Luikart G, Mergeay J, Miller JM, Van Rees CB, Segelbacher G, Hoban S - *Pitfalls and best practices when estimating wildlife genetic diversity in macrogenetic studies*. **GEO BON Open Science conference & All hands meeting 2020**. Conférence virtuelle.

13/12/2019 : Paz-Vinas I, Lang I, Veyssièrè C, Loot G, Cucherousset J - *Natural and Human pathways drive crayfish invasion in a meta-ecosystem*. **BES 2019: British Ecological Society Annual meeting**, Belfast, Irlande du Nord, Royaume-Uni.

23/05/2019 : Paz-Vinas I, Loot G, Hermoso V, Veyssièrè C, Poulet N, Grenouillet G, Blanchet S - *Systematic conservation planning for intraspecific genetic diversity*. **14th Ecology & Behaviour Conference**, Toulouse, France.

22/08/2018 : Paz-Vinas I, Loot G, Hermoso V, Veyssièrè C, Poulet N, Grenouillet G, Blanchet S - *Systematic conservation planning for intraspecific genetic diversity*. **Evolution 2018: IInd Joint Congress (ESEB, ASN, SSB and SSE) on Evolutionary Biology ***, Montpellier, France.

* Participation financée par la **bourse de mobilité AM069-AND-2018** accordée par le Gouvernement de la Principauté d'Andorre.

30/09/2013 : Paz-Vinas I, Loot G, Blanchet S - *Deciphering processes behind spatial patterns of genetic diversity: the case of dendritic river networks*. **19th biennial International Society for Ecological Modelling (ISEM) Conference 2013**, Toulouse, France.

01/07/2013 : Paz-Vinas I, Loot G, Blanchet S - *Disentangling the effects of dispersal asymmetry, differences in population sizes and colonization processes on genetic diversity patterns in dendritic metapopulations*. **Symposium for European Freshwater Sciences (SEFS) 2013**, Münster, Allemagne.

27/06/2011 : Paz-Vinas I, Quéméré E, Chikhi L, Loot G, Blanchet S - *Assessing the effects of habitat fragmentation on the demographic history of populations experiencing asymmetric gene flow*. **Symposium for European Freshwater Sciences (SEFS) 2011***, Gérone, Espagne.

* *Présentation récompensée par le « 3rd Award for the Best Student Oral Presentation ».*

Communications orales lors de conférences nationales

6/05/2022 : Paz-Vinas I - *Variables essentielles de la biodiversité (« EBVs ») pour le suivi de l'état et des tendances de la composition génétique des espèces à l'échelle globale*. **Séminaire sur les indicateurs de fragilité génétique pour l'anticipation des changements climatiques du Réseau Régional de Recherche Futurs-ACT**. Conférence virtuelle. Enregistrement disponible [ici](#) (min 28:10).

16/11/2017 : Paz-Vinas I, Blanchet S - *Hiérarchisation des actions de restauration et suivi de leur efficacité : l'apport de l'outil moléculaire*. **Journée nationale « Territoires et transparence écologique des infrastructures » du programme ITTECOP**, Ministère de la transition écologique, La Défense, Puteaux, France.

09/11/2017 : Paz-Vinas I, Douady C, Léna J-P, Kaufmann B, Malard F - *How geomorphic resistance affects the spatial distribution of genetic diversity*. **SMBE** (« Society for Molecular Biology and Evolution ») & **GDR AIEM** (Groupement De Recherche « Approche Interdisciplinaire de l'Évolution Moléculaire ») **regional meeting - Interdisciplinary Approaches for Molecular Evolution**, Lyon, France.

26/05/2016 : Paz-Vinas I - *Processus évolutifs et structuration génétique des populations de poissons dans les écosystèmes de rivières*. **Journées de la SFI (Société Française d'Ichtyologie) 2016**, Campus de Luminy, Marseille, France.

27/04/2016 : Paz-Vinas I, Loot G, Hermoso V, Veyssièrre C, Grenouillet G, Blanchet S, Grenier R, Chappaz R, Gilles A, Dubut V, Costedoat C - *Deux nouveaux outils pour la conservation des poissons : planification systématique de la conservation de la diversité génétique et calcul Bayésien approché*. **6^{ème} colloque Pisciculture**, Campus Saint-Charles, Marseille, France.

30/08/2011 : Paz-Vinas I, Quéméré E, Chikhi L, Loot G, Blanchet S - *Assessing the effects of habitat fragmentation on the demographic history of populations experiencing asymmetric gene flow*. **Colloque du « Petits Pois Déridés 2011 »**, Toulouse, France.

29/10/2010 : Paz-Vinas I, Quéméré E, Chikhi L, Loot G, Blanchet S - *Les effets de la fragmentation des habitats sur les populations de poissons d'eau douce. Une approche comparative multi-spécifique*. **1^{ère} École d'Été du CNRS réunissant les équipes scientifiques de Chizé, Moulis et Foljuif**, Chizé, France.

Communications orales lors de séminaires

03/07/2024 : Paz-Vinas I - *State-of-the-art of the emerging field of macrogenetics, and paths forward* **Séminaire invité, iDiv**, Leipzig, Allemagne.

06/11/2023 : Paz-Vinas I & The USGS Powell Center Macrogenetics Working Group - *Aggregating global genetic data for improved biodiversity management and advancement of community best practices*. **Séminaire invité (par visioconférence), USGS John Wesley Powell Center Seminar Series**, Fort Collins, Colorado, États-Unis d'Amérique.

06/11/2023 : Paz-Vinas I - *Patrons de biodiversité dans les réseaux hydrographiques et réponses éco-évolutives de la biodiversité aux changements environnementaux*. **Séminaire invité, INRAE Villeurbanne**, UR RiverLy, Villeurbanne, France.

22/06/2022 : Paz-Vinas I, Millet P, Loot G, Cucherousset J - *Restitution du projet de recherche DISPERSINVA*. **Séminaire invité, Siège de la Fédération de Pêche de Haute-Garonne**, Roques-sur-Garonne, France.

09/04/2022 : Paz-Vinas I - *Opportunities and challenges of macrogenetic studies*. **Séminaire invité, INRAE UMR BIOGECO 1202**, Cestas, France.

09/04/2021 : Paz-Vinas I - *Challenges and opportunities of macrogenetic studies*. **Séminaire invité (par visioconférence), BIOB 595 Population Genetics Seminar Course, University of Montana**, États-Unis d'Amérique.

10/12/2018 : Paz-Vinas I, Loot G, Veyssièrre C, Santoul F - *Le Silure glane (Silurus glanis L.) : connaissances et estimation des stocks dans la partie aval de la Garonne*. **Séminaire invité, UFBAG** (Union des Fédérations départementales pour la pêche et la protection du milieu aquatique du Bassin Adour-Garonne), Bruch, France.

26/04/2017 : Paz-Vinas I - *Distribution of genetic diversity in dendritic networks: Patterns, processes and implications for biodiversity conservation*. **Séminaire invité, IRSTEA Villeurbanne**, UR MALY, Villeurbanne, France.

27/10/2016 : Paz-Vinas I - *Distribution de la diversité génétique dans les réseaux hydrographiques : patrons, processus et implications pour la conservation de la biodiversité.* **Séminaire Laboratoire LEHNA**, UMR 5023 CNRS - Université Lyon I - ENTPE, Villeurbanne, France.

03/04/2015 : Paz-Vinas I - *Distribution of genetic diversity in dendritic networks: Patterns, processes and implications for biodiversity conservation.* **Séminaire Axe 2 Laboratoire IMBE**, UMR 7263 Marseille, France.

11/06/2014 : Paz-Vinas I - *Distribution de la diversité génétique dans les réseaux hydrographiques : implications pour la conservation de la biodiversité.* **Séminaire invité, Station Biologique de Roscoff**, UMR 7144 CNRS-Université Paris 6, France.

04/12/2013 : Paz-Vinas I - *Deciphering processes behind spatial patterns of genetic diversity: The case of dendritic river networks.* **Séminaire invité, Centre de Théorisation et Modélisation de la Biodiversité (CTMB), Station d'Écologie Expérimentale du CNRS à Moulis**, USR 2936, Moulis, France.

11/02/2011 : Paz-Vinas I et Blanchet S - *Les effets de la fragmentation des habitats sur les populations de poissons d'eau douce. Une approche comparative multi-spécifique.* **Séminaire invité, IMEP (Institut Méditerranéen d'Écologie et de Paléoécologie)**, UMR 6116 - Université Aix-Marseille, Marseille, France.

24/03/2010 : Paz-Vinas I - *Rôle de la structure des populations et du flux de gènes dans l'inférence de l'histoire démographique : implications pour l'étude des populations fragmentées.* **Séminaire invité, Station d'Écologie Expérimentale du CNRS à Moulis**, USR 2936, Moulis, France.

Communications orales lors de réunions de groupes de travail (liste non exhaustive)

16/08/2022 : Paz-Vinas I - *Estimating effective population sizes and genetic indicators for freshwater fishes.* **G-Bike workshop « Testing genetic indicators for the Convention on Biological Diversity »**, Transylvania University, Brasov, Roumanie.

01/12/2020 : Paz-Vinas I, Loot G, Veyssièrè C, Santoul F - *Quantifying the predation of *Silurus glanis* on anadromous migratory species in the Garonne river.* **Third Workshop of the Scientific Working Group on European Catfish.** Workshop virtuel.

10/12/2018 : Paz-Vinas I, Loot G, Veyssièrè C, Santoul F - *Le Silure glane (*Silurus glanis* L.) : connaissances et estimation des stocks dans la partie aval de la Garonne.* **Second Workshop of the Scientific Working Group on European Catfish**, Toulouse, France.

16/04/2012 : Paz-Vinas I, Blanchet S, Loot G, Veyssièrè C, Grenouillet G - *Work Package 3: Fish dispersal models progress report.* **Workshop Project Européen « IMPACT »**, University of Duisburg-Essen (UDE), Essen, Allemagne.

07/10/2010 : Paz-Vinas I, Blanchet S, Loot G, Veyssièrè C, Grenouillet G - *Introduction of the Work Package 3: Fish dispersal models.* **Réunion de lancement du Project Européen « IMPACT »**, Leibniz-Institute of Freshwater Ecology and Inland Fisheries IGB, Berlin, Allemagne.