



Maïlys GAUTHIER

Née le 08/11/1992



3, avenue Auguste Blanqui  
69100 Villeurbanne



mailys.gauthier@gmail.com



06.75.63.33.57



@mailys\_gauthier

### Langues

Français ● ● ● ● ● ● ● ●

Anglais ● ● ● ● ● ● ○

### Informatique

Excel, Word, Power Point

Suite Open Office

Inkscape

Microsoft, bases sur Linux

### Centre d'intérêts

Cuisine

Milieu associatif

Escalade – Natation

## EXPERIENCES PROFESSIONNELLES

### Thèse d'Écologie - INRAE-Villeurbanne et LEHNA (Université Lyon I)

« Dynamique des métacommunautés dans les têtes de bassins versants fragmentées : une approche moléculaire »

### Stage Master 2 - IDEEV (CNRS Gif-sur-Yvette)

« Étude pilote des rôles de la qualité de l'habitat et des communautés bactériennes de la peau dans l'infection des amphibiens du Plateau de Saclay par un champignon pathogène »

### Stage Master 1 - ESE (Université Paris-Saclay)

« Évaluation d'une méthode de suivi génétique non-invasive des populations de micromammifères »

## DIPLOMES

2020 : **Thèse de Doctorat** d'Écologie, Université Lyon I

2016 : **Master** Biodiversité, Ecologie, Evolution parcours Biologie de la Conservation, Université Paris-Saclay, mention Bien

2014 : **Licence** Biologie des Organismes et des Population, Université Lyon I, mention Assez bien

## COMPETENCES PROFESSIONNELLES

### Biologie moléculaire

Analyses classiques en laboratoire : extraction d'ADN, PCR, PCR quantitative, électrophorèse, spectrophotométrie, dosage

Mise en place de protocoles : capture par sondes ARN, extraction ADN

Analyse des données : traitements des séquences ADN (logiciels Finch TV, Geneious), analyse des données issues des Séquenceurs de Nouvelles Générations (NGS) (traitement des données par la mise en place de pipelines de traitement et maîtrise des pipelines existantes), identification (BLAST, BOLD Systems, mise en place de bases de données internes), phylogénie (logiciels Seaview, Mega, Geneious)

### Analyses statistiques (logiciel R)

Maîtrise des modèles linéaires, non-linéaires, tests paramétriques et non-paramétriques

Analyse de diversité, en écologie des communautés et métacommunautés (package vegan et ade4)

### Analyse de données

Gestion des données spatiales (logiciels QGIS et R)

### Logistique

Mise en place de plan d'échantillonnage

Gestion et achat du matériel

### Qualité de travail

Volontaire, Impliquée dans la vie du laboratoire (animations, organisation événements), Autonome, Rigoureuse

## EXPERIENCES NOTABLES

Participation à des projets européens (Cost Actions SMIREs et DNAqua-Net)

Congrès internationaux (présentation orale): SEFS10, Limnologia et SEFS11

## REFERENCES BIBLIOGRAPHIQUES

Gauthier, M, Launay, B, Le Goff, G, Douady, CJ, Datry, T. Drying does not alter metacommunity dynamics in a highly fragmented river network. **In review**.

Gauthier, M, Launay, B, Le Goff, G, Pella, H, Douady, CJ, Datry, T. Fragmentation promotes the role of dispersal in determining 10 intermittent headwater stream metacommunities. *Freshwater Biology*. **2020**; 00: 1– 17. <https://doi.org/10.1111/fwb.13611>

Gauthier, M, Konecny-Dupré, L, Nguyen, A, et al. Enhancing DNA metabarcoding performance and applicability with bait capture enrichment and DNA from conservative ethanol. *Mol Ecol Resour*. **2020**; 20: 79– 96. <https://doi.org/10.1111/1755-0998.13088>