



✉ nicolasvaganay@yahoo.fr
🏠 5 Chemin de la Pêchette, Millery, 69390
📄 Permis B
🚗 Véhicule personnel
📍 Lyon
☎ 0620425279

LANGUES

Français

Langue natale

Anglais

Niveau C1+
Certification Linguaskill

Allemand

Niveau B2

LANGAGES DE PROGRAMMATION

- Python

- Bash

- R

ATOUTS

- Polyvalence
bioinformatique/expérimentaliste

- Travail d'équipe

- Communication

- Autonomie

- Rigueur

- Organisation

CENTRES D'INTERET

- Ornithologie

- Photographie

- Dessin graphique

- Design

Nicolas VAGANAY

Génomique environnementale

Titulaire d'un Master en Biodiversité, Écologie et Évolution, avec une spécialisation en Génomique Environnementale et actuellement doctorant en écologie moléculaire, je dispose d'une solide expertise en outils bioinformatiques et en techniques de laboratoire appliquées à la génomique environnementale.

Diplômes et Formations

Doctorat en écologie moléculaire

Depuis juillet 2025 **CNRS LEHNA**, Villeurbanne, France

"Dynamique spatio-temporelle des ADNe dans les hydrosystèmes, confrontation entre modèle de transport et données empiriques"

Master Génomique Environnementale

De septembre 2022 à juin 2024 **Université Claude Bernard - Lyon 1** Villeurbanne, France

Licence Sciences de la Biodiversité

De septembre 2019 à mai 2022 **Université Claude Bernard - Lyon 1** Villeurbanne, France

Baccalauréat Scientifique option Sciences et Vie de la Terre - Mention Bien

De septembre 2014 à juin 2017 **Saint Thomas d'Aquin Veritas** Oullins, France

Expériences professionnelles

Stagiaire

De janvier 2024 à juin 2024

IGFL (Institut de Génomique Fonctionnelle de Lyon) - Plateforme de séquençage ENS de Lyon

Sujet du stage "Identification et comparaison des communautés bactériennes par des approches de métabarcoding 16S et métagénomique shotgun dans des populations de puces *Xenopsylla cheopis*"

- Séquençage Nanopore Promethion et MK1C (Métabarcoding 16S et métagénomique shotgun)
- Développement d'un pipeline d'analyse des reads 16S métagénomique (Bash/Python/R)
- Binning (Assemblage de génomes bactériens)
- Analyse par phylogénie

Stagiaire

D'avril 2023 à mai 2023

IGFL (Institut de Génomique Fonctionnelle de Lyon) - Equipe Yad Ghavi Helm ENS de Lyon

Sujet du stage : "Activité spatio-temporelle des enhanceurs lors du développement embryonnaire de la drosophile"

- Mise au point d'un enhancer reporter assay à haut débit
- Elaboration de lignées de Drosophiles mutantes
- Construction de plasmides

Expérience associative

Bénévole

Depuis décembre 2021 **LPO (Ligue pour la Protection des Oiseaux)** Lyon, France

- Inventaire ornithologique et aménagement pour la biodiversité.

Compétences

GESTION DE PROJETS EN GENOMIQUE ENVIRONNEMENTALE

- De l'échantillonnage des données à l'interprétation biologique en passant par l'analyse des données

BIOLOGIE MOLECULAIRE

- Extraction ADN/ARN, contrôle qualité et quantité, PCR/qPCR, construction de plasmides...
- Séquençage Sanger / Illumina / Nanopore

BIO-INFORMATIQUE

- Analyse de données de séquençage métabarcoding / métagénomique shotgun
- Analyse de données génomiques (annotation d'éléments transposables, recherche de polymorphisme, assemblage de novo...)
- Analyse de données transcriptomiques (RNASeq / scRNASeq / ChIPSeq)
- Inférence et reconstruction phylogénétique
- Mise en place de dépôt Git